


```

Db      2041  ACTGAGCCAAAGCTATCGAAGCTATACGTTAAACACTACACCGGTAATCGAACCGGC 2100
Qy      2153  ACTTTACACGACGAGCCAAACCGTGACATATGTGTATCTAATAAACHATCGAAGCAGCA 2212
Db      2101  ACTTTACACGACGAGCCAAACCGTGACATATGTGTATCTAATAAACHATCGAAGCAGCA 2160
Qy      2213  GAGCGGATAACAGTGAAATTCAGTGATCTAATGCGCAAAACACATCTGCTCCATCCGAACA 2272
Db      2161  GAGCGGATAACAGTGAAATTCAGTGATCTAATGCGCAAAACACATCTGCTCCATCCGAACA 2220
Qy      2273  TTAACCGGAACGTTGCGGACACATATAAAGCACTTAAAGCAACCAATTAAGCAACCAATTAAGCA 2332
Db      2221  TTAACCGGAACGTTGCGGACACATATAAAGCACTTAAAGCAACCAATTAAGCAACCAATTAAGCA 2280
Qy      2333  TTATCCGCGCAACCAACCAATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCG 2392
Db      2281  TTATCCGCGCAACCAACCAATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCG 2340
Qy      2393  TACATTTATAGGAACCAACCAACCAATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCG 2452
Db      2341  TACATTTATAGGAACCAACCAACCAATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCG 2400
Qy      2453  ACCACCAACCAACCAACCAATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCG 2512
Db      2401  ACCACCAACCAACCAACCAATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCG 2460
Qy      2513  CTACCAAAACAGCGGATTCGACACATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCG 2572
Db      2461  CTACCAAAACAGCGGATTCGACACATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCGATCG 2520
Qy      2573  TCCACAGCTCTAGTATCTGGAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAG 2608
Db      2521  TCCACAGCTCTAGTATCTGGAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAG 2556

RESULT 4
AX415879
LOCUS      2556 bp      DNA      linear      PAT 02-SEP-2002
DEFINITION Sequence 2870 from Patent WO0228891.
ACCESSION AX415879
VERSION    AX415879.1 GI:21448336
KEYWORDS   Listeria monocytogenes EGD-e
SOURCE     Listeria monocytogenes EGD-e
ORGANISM   Bacteria; Firmicutes; Bacillales; Listeriaceae; Listeria.

REFERENCE
1
AUTHORS    Kunst, F. and Glaser, P.
TITLE      Listeria inocua, genome and applications
JOURNAL    Patent: WO 0228891-A 2870 11-APR-2002;
INSTITUT PASTEUR (FR) ; CENTRE NATIONAL DE LA RECHERCHE
SCIENTIFIQUE (CNRS) (FR)
FEATURES   Location/Qualifiers
            source
              1..2556
                /organism="Listeria monocytogenes EGD-e"
                /mol_type="unassigned DNA"
                /db_xref="taxon:169963"

ORIGIN
Query Match 96.8%; Score 2556; DB 2; Length 2556;
Best Local Similarity 100.0%; Pred. No. 0;
Matches 2556; Conservative 0; Mismatches 0; Indels 0; Gaps 0;

Qy      53  TTGAAGAACTACTAAATAGTAATTCCTCATTAGTTAGTTTAAACCATGGTTTCAAAACCG 112
Db      1  TTGAAGAACTACTAAATAGTAATTCCTCATTAGTTAGTTTAAACCATGGTTTCAAAACCG 60

Qy      113  CTTTAAACATCCGACCAACGAATCATGTATTGATTAATACGACAGAAATCACTACTGAT 172
Db      61  CTTTAAACATCCGACCAACGAATCATGTATTGATTAATACGACAGAAATCACTACTGAT 120

Qy      173  AAGCAACACAGCTCAACTCAACCACTATAAAGCAACACTCAAGCCGGTCAAAACAA 232

```

```

Db      121  AAAGAAACAGCTCAACTCAACCAATTAATAAACAACACTCAAGCCGGTCAAAACAA 180
Qy      233  AGTTTAAACGACCTGGTTCTTGATGACAAATTTTGTCTTCAGAGGTAGCAGCAGCATTTGAA 292
Db      181  AGTTTAAACGACCTGGTTCTTGATGACAAATTTTGTCTTCAGAGGTAGCAGCAGCATTTGAA 240
Qy      293  ATCGAAGCAACTGACACATCTACGCGAAGAACAACTAGCTACTCTTAACAGTCTAGATTGC 352
Db      241  ATCGAAGCAACTGACACATCTACGCGAAGAACAACTAGCTACTCTTAACAGTCTAGATTGC 300
Qy      353  CATAAATTCATCCATTAACCGATATGACTGGTATTGAAAAATTAACCTGTTTAAACAAATTA 412
Db      301  CATAAATTCATCCATTAACCGATATGACTGGTATTGAAAAATTAACCTGTTTAAACAAATTA 360
Qy      413  ATTGCAACAGTAACAACTTACCACTTGTGATCTTGTAGCCAAAACACTTAATTTAACTTAT 472
Db      361  ATTGCAACAGTAACAACTTACCACTTGTGATCTTGTAGCCAAAACACTTAATTTAACTTAT 420
Qy      473  CTGCGCATGTGATTCAATTAACCTTACAAACCTTGAAGCTAACCCCGCTTACAAAATTAACC 532
Db      421  CTGCGCATGTGATTCAATTAACCTTACAAACCTTGAAGCTAACCCCGCTTACAAAATTAACC 480
Qy      533  TACTTAATTTGCGACACGAAACAACTCAAAAGTTAGTGTAGTCAAAATCCACTGTTA 592
Db      481  TACTTAATTTGCGACACGAAACAACTCAAAAGTTAGTGTAGTCAAAATCCACTGTTA 540
Qy      593  ACTTATTTAAACCTGCGCGCAACCACTTAAACCGAATAGTGTAGCCCAACATAACAA 652
Db      541  ACTTATTTAAACCTGCGCGCAACCACTTAAACCGAATAGTGTAGCCCAACATAACAA 600
Qy      653  TTAACCGAGCTAGACTGCCATTTAAATAAATAAATAATCAAAATTAGTGTGACACACAA 712
Db      601  TTAACCGAGCTAGACTGCCATTTAAATAAATAAATAATCAAAATTAGTGTGACACACAA 660
Qy      713  ACTCAATTAACAACTTACAGCTGAGCTTTAATAAATAAATAATCAAAATTAGTGTGACACAA 772
Db      661  ACTCAATTAACAACTTACAGCTGAGCTTTAATAAATAAATAATCAAAATTAGTGTGACACAA 720
Qy      773  AATAAATACTCAACCGCTCAAACTGGGACACTAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATA 832
Db      721  AATAAATACTCAACCGCTCAAACTGGGACACTAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATA 780
Qy      833  CAAAATATTACGTAACCTTCTCTAGATTGCTCCAGTAACAAATTAACCCAAATAGATGTA 892
Db      781  CAAAATATTACGTAACCTTCTCTAGATTGCTCCAGTAACAAATTAACCCAAATAGATGTA 840
Qy      893  ACCCCGCTTACACAGTAAACATATTTTGAATGTAGGTAAATCTTTTAACTGAATAGAT 952
Db      841  ACCCCGCTTACACAGTAAACATATTTTGAATGTAGGTAAATCTTTTAACTGAATAGAT 900
Qy      953  GTATCTACGCTTTCAAAATTAACCTACACTACATTTGTATACAAACAGATTTATTAGAAATA 1012
Db      901  GTATCTACGCTTTCAAAATTAACCTACACTACATTTGTATACAAACAGATTTATTAGAAATA 960
Qy      1013  GACCTAAACACACACACAACTAATAATATATTTTCAAGCTCAAGGATGTAGAAAATAAAA 1072
Db      961  GACCTAAACACACACACAACTAATAATATATTTTCAAGCTCAAGGATGTAGAAAATAAAA 1020
Qy      1073  GAGCTTGTGTACCGGTAATACCAATATATTTTATTTAGCTGCCAAGCCGCTGGTATA 1132
Db      1021  GAGCTTGTGTACCGGTAATACCAATATATTTTATTTAGCTGCCAAGCCGCTGGTATA 1080
Qy      1133  ACAGAAATTCGATCTTTTCAAAACCCCTAAATTTAGTCTTATTTGATTTAAATTAATCTGAA 1192
Db      1081  ACAGAAATTCGATCTTTTCAAAACCCCTAAATTTAGTCTTATTTGATTTAAATTAATCTGAA 1140
Qy      1193  CTAACCGAATTAGAGCTTTCCGTAACCAACAGCTGAAAGTTTGTCTTGGTAAATGCG 1252
Db      1141  CTAACCGAATTAGAGCTTTCCGTAACCAACAGCTGAAAGTTTGTCTTGGTAAATGCG 1200
Qy      1253  CACATCCAAAGACTCTCTCTCTGTAGGTAAAAATTCCTGCTTAAACAAATTTTGGGCT 1312
Db      1201  CACATCCAAAGACTCTCTCTCTGTAGGTAAAAATTCCTGCTTAAACAAATTTTGGGCT 1260

```

QY	1313	GAAGGCGAAACAATCAGCATGCCCTAAAGAAA	CTTTAAACAAACAGCTTGACCAATTGCA	13172
DB	1361	GAAGGCGAAACAATCAGCATGCCCTAAAGANA	CTTTAAACAAACAGCTTGACCAATTGCA	13320
QY	1373	GTTAGCCCTGATTTTATTAGATCAGTTTGGMA	ATCCGATATATCGAACCCGGAGACGGC	14332
DB	1321	GTTAGCCCTGATTTTATTAGATCAGTTTGGMA	ATCCGATATATCGAACCCGGAGACGGC	1380
QY	1433	GGTGTGTACGACCAAGCAACAATAACATTAAC	CTTGGGAAAACTCAGCACAGACAATCCA	1492
DB	1381	GGTGTGTACGACCAAGCAACAATAACATTAAC	CTTGGGAAAACTCAGCACAGACAATCCA	1440
QY	1493	GCGGTAACTTATCTTTCACTTCGGAACACGGAG	CTTATAGTGAACACGGTAAACCACTCCA	1552
DB	1441	GCGGTAACTTATCTTTCACTTCGGAACACGGAG	CTTATAGTGAACACGGTAAACCACTCCA	1500
QY	1553	TTTGAAGCACTTCAACCCATCAAGGAGAAAGAG	CTCAGTACATTTACCTTGATGACAAA	1612
DB	1501	TTTGAAGCACTTCAACCCATCAAGGAGAAAGAG	CTCAGTACATTTACCTTGATGACAAA	1560
QY	1613	GGAGAAAAATTTGGCGGATGATGAAGTTTCAAG	CGGTAAATTTGGACGATCCTTATACTTCT	1672
DB	1561	GGAGAAAAATTTGGCGGATGATGAAGTTTCAAG	CGGTAAATTTGGACGATCCTTATACTTCT	1620
QY	1673	AGCGAAAAAGACATCCACAGATATACATTAAC	GCATCTCCAGATAAGCAACCGGAACA	1732
DB	1621	AGCGAAAAAGACATCCACAGATATACATTAAC	GCATCTCCAGATAAGCAACCGGAACA	1680
QY	1733	TTCAACCACTATAGCCAGTCGTAAACGTAAGTT	TACACTAAACAAATCGTAGCCGACAG	1792
DB	1681	TTCAACCACTATAGCCAGTCGTAAACGTAAGTT	TACACTAAACAAATCGTAGCCGACAG	1740
QY	1793	CTGTAAACCGTTTAATTAAGTGGACGATCTCG	GAACAAAGCTCTCTCCATCCGGAATATTA	1852
DB	1741	CTGTAAACCGTTTAATTAAGTGGACGATCTCG	GAACAAAGCTCTCTCCATCCGGAATATTA	1800
QY	1853	AACGGAAATTTTGGCGCAACTTATTAACGCCA	CTGCCAAAACAAATCGAGGCTACACATTA	1912
DB	1801	AACGGAAATTTTGGCGCAACTTATTAACGCCA	CTGCCAAAACAAATCGAGGCTACACATTA	1860
QY	1913	TCGCGCGAACCAACCAATGCACTGCACAAATTC	CACAGCAGCGCGCAACCGTCAACTAT	1972
DB	1861	TCGCGCGAACCAACCAATGCACTGCACAAATTC	CACAGCAGCGCGCAACCGTCAACTAT	1920
QY	1973	ATTACACAAAAAATTCACGCCCCCTGAAAAAG	GAGTTGTAGAAATTCATATTTGACGAA	2032
DB	1921	ATTACACAAAAAATTCACGCCCCCTGAAAAAG	GAGTTGTAGAAATTCATATTTGACGAA	1980
QY	2033	GATAATTAACACTTTAACTCCACACAGAAAAAT	TTCTCGAACAAATAGGAGTAACCTACACG	2092
DB	1981	GATAATTAACACTTTAACTCCACACAGAAAAAT	TTCTCGAACAAATAGGAGTAACCTACACG	2040
QY	2093	ACTGACCCAAAATCTATCGAAGGCTATAGCTTT	AAACACTACACCGGTTAATGCAACCGGC	2152
DB	2041	ACTGACCCAAAATCTATCGAAGGCTATAGCTTT	AAACACTACACCGGTTAATGCAACCGGC	2100
QY	2153	ACTTTCAACACAGGCGGCCAAACGGGTGACAT	ATGTTGTTACTAABAAACATCGAGACGCA	2212
DB	2101	ACTTTCAACACAGGCGGCCAAACGGGTGACAT	ATGTTGTTACTAABAAACATCGAGACGCA	2160
QY	2213	GAGCCGATAACGATGNAATTACGTGGATGCTAT	ATGTCGCAAAACACTCGCTCCATCGGAAACA	2272
DB	2161	GAGCCGATAACGATGNAATTACGTGGATGCTAT	ATGTCGCAAAACACTCGCTCCATCGGAAACA	2220
QY	2273	TTAAACGGAAAGTTTGGCGCACATATAAGCAAC	CTGCCAACAAATTCGACCGGCTACACA	2332
DB	2221	TTAAACGGAAAGTTTGGCGCACATATAAGCAAC	CTGCCAACAAATTCGACCGGCTACACA	2280
QY	2333	TTATCCGCGAACCAACCAATGCGACTGGAACA	TAATTCAGTAGCGCAACAATCTGTCAC	2392
DB	2281	TTATCCGCGAACCAACCAATGCGACTGGAACA	TAATTCAGTAGCGCAACAATCTGTCAC	2340

RESULT 5
AE017262.28
WPCOMMENT
Semence en lit intro 29 fragments LOCUS AE017262 Accession AE017262

RESULT 5
AE017262 28
WPCOMMENT

AE017262_28 2800001 2905187
Continuation (29 of 29) of AE017262 from base 2800001 (AE017262 *Listeria monocytogenes*)

Query Match	83.2%;	Score 2197.6;	DB 15;	Length 105187;
Best Local Similarity	88.1%;	Prod. No. 0;		
Matches 2511;	Conservative	0;	Mismatches 114;	Indels 225; Gaps 2;
Qy	1	TAAACCGCGGTATTAATTAATGATTATAGACAGCAATAAGGAGTGCGCCAAATTTGAAAC	60	
Db	67562	TAAACCGCGGTATTAATTAATGATTATAGACAGCAATAAGGAGTGCGCCAAATTTGAAAC	67621	
Qy	61	TACTAAAAATAGTAATTCGCTTCATTAGTTAGTTTAAACATGGTTTTCAAAACCGCTTTTAAAC	120	
Db	67622	TTCTAAAAATTAATAATAGTCTTCATTAGTTAGTTTAAACCTGGTTTTCAAAACCGAAATTTTAAAC	67681	
Qy	121	ATTCCGACAGCAAGATGATGTTATTGTATATACACAGAAATCACTACTGTATAAGGAAC	180	
Db	67682	ATTCCGACAGCAAGATGATGTTATTGTATAGACAGAAATCACTACTGTATAAGGAAT	67741	
Qy	181	AGGTCACCTCAACCAACTATATAAAACACACTCAAGCGGTCAACACAAAGTTTAA	240	
Db	67742	AGGTCACCTCAACCAACTATATAAACCACTCAAGCGGTCAACACAAAGTTTAA	67801	

Pls. mail w/ office action
6-10-07